Email	mdejesus@rockefeller.edu
Description	RVBD0578c_(PE_PGRS7)_671999_675919
Date	Fri Jul 26 01:50:13 BST 2019
Unique Job ID	0bd498cb083e4215

Secondary structure and disorder prediction

Sequence
Secondary structure
SS confidence
Disorder
Disorder confidence
430 440 450 460 470 480
GQTGANGGRGGDGGQVGNGGAGGAGGRGGAGGLGFGSEAPGRPGGAGGTGGAGGNGGTQA
490 500 510 520 530 540
GDGGTGGAGGAGGDGGSGGAGSIGFNASAPGAAGSPGGNGGNGGPGGAGGEGGAGGLALA
550 560 570 580 590 600
ASGQNGSQGAGGDGGAGGNGGTPGNGGHGAAGALGVNGGVGGAGGHGGDPGVGGAGGQGG
610 620 630 640 650 660
SGSTPGANGAPGNTPTSGGNGGNGGRGADATGFGQTGASGGRGGDGGLVGNGGAGGAGGN
670 680 690 700 710 720
GSKGLPGLGRLGNPGLDGGTGGNGGAGGSGGAWAGNGGTGGAGGTGGVGGTGGSGSDGVN
730 740 750 760 770 780
GSSAGADGHPGGTGGVGGTGGKGGDGGDGGAAPNGVAGSQGPGGAGGDGGTGGVGGNGGR
790 800 810 820 830 840
GIDGADGATAGARGQDGGAGGAGGKGGRGGTGGPGGAGPAGTTGSQGAGGNGGSGGTGGD
850 860 870 880 890 900
PGDGGNGANGSVFTNNGIGGNGGNGGNAGPSGAGGSGGAGSTFGATGSSSSIHVNGGNGG
910 920 930 940 950 960
NGGNGDHALSGNGAAGGNGGNGGNGSLRGSGGAGGHGGNGGNASRGMGGDGGTGGAGGNA

Secondary structure
SS confidence
Disorder
Disorder confidence
Sequence
970 980 990 1000 1010 1020
GQI GNGGAGG NGGDGGTGS D GNPGAI TGSG GRGGDGGVGG QGGSVAGDGA DGGRGGAGGT
1030 1040 1050 1060 1070 1080
GGTGL RGTTG ATGATGT F DA GADGHGGNGG TGGVGGTGGA GGGGGNGGAG GKALSPTGNN
1090 1100 1110 1120 1130 1140
GSQGAGGDGG AGGAGGTGGT GGDGGRGAHG TLF SSLAGTG GTGGNGGTGG TGGTGGAGGA
1150 1160 1170 1180 1190 1200
GGTGSTL GAT GATGAAGRAG NGGVGGSGGL GSAFGPGGTG GMGGAGGTST VSAGGDGGRG
1210 1220 1230 1240 1250 1260
GFGGDGL DAS SGGNGGDGGH GGDGFRTAGA GGRGGDGGKG ADPGGLFPI P GAGGKGGTGG
1270 1280 1290 1300
TGGTAHL GPL AII GQSGQPG QFGSPGADGR GGAGGAGGGG GAGGSF
Confidence Key
High(9) Low (0)
? Disordered (92%)
Alpha helix (6%)
Beta strand (0%)