Email	mdejesus@rockefeller.edu
Description	RVBD1450c_(PE_PGRS27)_1630644_1634633
Date	Fri Aug 2 13:30:02 BST 2019
Unique Job ID	a7e11fe1aed2379a

Secondary structure and disorder prediction

Sequence
Secondary structure
SS confidence
Disorder
Disorder confidence
GAGGLVGNGG AGGAGGNGAP GAPPSGGDPN GGGGGAGGAG GKGGDGGAQA GDGGAGGAGG
490 500 510 520 530 540
KGGNGGNGAT GATGLNGLGA GADGTDGGKG GNGGAGGGGG AGGQGGKALA ATHQDGSMGA
550 560 570 580 590 600
GGAGGNGGAG GMGGDGGNGA KGTFDNGGDG VGGNGGNGGS RGI GGAGGI G GAGSTAGADG
610 620 630 640 650 660
ARGATPTSGG NGGTGGNGAN ATVAGGAGGA GGKGGNGGLV GNGGAGGKGG DGMAGVAGSS
670 680 690 700 710 720
PTTAGESGTS GQNGGAGGAG GAGGRGGDFG GDGGTGGAGG NGANGANATT PGAKGGDGGH
730 740 750 760 770 780
GGPGAQGGNG GQGGPGGLAG NLFGQNGI QG VGGSGGKGGA GGLAGDGGNG ANGNFAFGDG
790 800 810 820 830 840
NGGHGGNGGN PGAGGQGGSG GAGSTPGAKG AHGFTPTSGG DGGDGGNGGN SQVVGGNGGD
850 860 870 880 890 900
GGNGGNGGSA GTGGNGGRGG DGAFGGMSAN ATNPGENGPN GNPGGNGGAG GAGGAGLNGG
910 920 930 940 950 960
NGGAGGNGGL GGFGGNGAAG ANGVAVGAPG QPGGAGGHGG AGGNGGAGGN GGQGVVSDGA

SS confidence
Disorder
Disorder confidence
Sequence
Secondary structure
970 980 990 1000 1010 1020
GGAGGAGGDG GAPGDGANGG NGQGAGAF AG GGGGRGGDGG NAGNAGAGGP GGTGSTAGKA
1030 1040 1050 1060 1070 1080
GPAGSI LHDG GNGGHGGHGA ASGGNGGP GG HGGNGGNGGT GANGGNGGI G GTGGAGSTGA
1090 1100 1110 1120 1130 1140
KGVLGT NEGD GGDGGRGGNG GRGGNGGQGL TGAGGNGGTG GTPGNGGNGG NGASGDLVTS
1150 1160 1170 1180 1190 1200
PGDGGGGGRG GDAGRGGDAG LGGSSGPGGT PGDWGTGGTG GTGGTGGQGA NGGLTGGRGG
1210 1220 1230 1240 1250 1260
TGGNGGNGNT GGTGGAGGTG GTGHNGSQPG MGGNGGAGGF GGNGFAGVGG RGGMGGSGGT
1270 1280 1290 1300 1310 1320
GGTGDAGPF G TGTGGTGGHG GQGGGGGFSI LLGLGGLGGL GSPGSI ATGT AGGAGGGGGF
GGLGGGEFV
Confidence Key
High(9) Low (0)
? Disordered (94%)
Alpha helix (6%)
Beta strand (0%)